

Årligt symposium i Danmarks Mikrobiologiske Selskab

Thomas Bjarnholt, Carsten Suhr Jacobsen & Lars Bogø Jensen

STATUSARTIKEL

Danmarks
Mikrobiologiske Selskab

Den 18. november afholdt Danmarks Mikrobiologiske Selskab årskongres. Der var 250 fremmødte, fremvisning af 53 posters samt 12 virksomhedsstande.

Mødet startede med en session omkring »social mikrobiologi«: *Marvin Whiteley* (Texas, USA), *Sine Lo Svinningsen* og *Lars Jelsbak* fortalte om aktuell forskning inden for mikrobiel interaktion. *Svinningsen* fortalte om, hvordan bakteriers interne kommunikation kan »udnyttes« af bakteriofager til at vide, hvornår det er hensigtsmæssigt at lysere sin vært.

Jelsbak og *Whiteley* havde fokus på bakterielle interaktioner og evolution i infektioner.

Ved »One health« fortalte *Win van der Hoek* fra Holland om erfaringer med Q-febepidemi i Holland blandt geder. *Jørgen Schlundt* fortalte om brug af DNA-sekventering til mikrobiologisk identifikation globalt, og *Anders Dalgaard* fortalte om udfordringer ved brug af vand af lav kvalitet i landbruget.

I »The bacterium as a production organism« gennemgik *Morten Sommer*, *Markus Herrgard* og *Bjørn Voldborg* optimering af bakterier og cellelinjer til effektiv produktion af bioteknologiske produkter. I »Permafrost microbiology« gennemgik *Tim Ulrich* og *Marek Stibal* nuværende mikrobiologiske økosystemer i permafrost og deres funktion bl.a. ved karbonmineralisering. *Kai Finster* fortalte, hvordan undersøgelser af mikroorganismer i permafrost kan bruges til at simulere undersøgelser på Mars.

I »Biodegradation« fortalte *Martin von Bergen*, *Carsten Suhr Jacobsen* og *Jeppe Lund Nielsen* om identifikation af gener involveret i forurenede miljøer.

I »Clinical microbiology« blev metoder til bedre og hurtigere diagnostik fremlagt af *Annette Moter*, *Michael Kemp* og *Claus Moser*.

I »Microscopy« introducerede *Mike Hellemann* en helt ny højopløsningsmikroskopiteknik til at se på cellestrukturer, og *Steffen E. Sørensen* fortalte om visualisering og diagnosticering af biofilm i kroniske infektioner.

Ved »ASM online lecture« fortalte *James M. Tiedje* (Michigan State University) om *the many faces of metagenomics* via en Skype-forbindelse fra USA efterfulgt af et *keynote battle* mellem *Jim Prosser* (University of Aberdeen) og *Janet Jansson* (Lawrence Berkeley National Lab., California) omkring deres syn på, hvordan *high throughput sequencing*-forskning skal planlægges og udføres.

Teknologien genererer enorme mængder data, og spørgsmålet er, om eksperimenterne skal designes til at besvare biologiske spørgsmål, eller de biologiske spørgsmål skal besvares ud fra genererede data.

Dette *battle* var en forlængelse af et indlæg i Nature om samme emne.

KORRESPONDANCE: *Lars Bogø Jensen*, Dansk Magisterforening, Peter Bangs Vej 30, 2000 Frederiksberg.

E-mail: lboj@food.dtu.dk; loj@dm.dk

INTERESSEKONFLIKTER: Forfatterens ICMJE-formularer er tilgængelige sammen med artiklen på Ugeskriftet.dk

